МОЛЕКУЛЯРНА БІОФІЗИКА

УДК 577.3

# ИССЛЕДОВАНИЕ ГИДРАТАЦИИ И СТРУКТУРНЫХ ПЕРЕХОДОВ ТРАНСПОРТНЫХ РНК

Т.В. Больбух, М.А. Семенов, В.А. Кашпур, В.Я. Малеев

Институт радиофизики и электроники НАН Украины, ул. Ак. Проскуры, 12, г. Харьков, 310085 e-mail: maleev@ire.kharkov.ua.
поступила в редакцию 15 января 1999 г.

Методами ИК-спектроскопии, КВЧ-диэлектрометрии и пьезогравиметрии проведено исследование гидратации суммарной тРНК во влажных пленках и растворах. Найдено, что степень гидратации тРНК составляет ~14 (±1) молей воды на средний моль нуклеотида. Данное количество воды необходимо для образования не только вторичной структуры стеблей тРНК, но и формирования ее третичной структуры. **КЛЮЧЕВЫЕ СЛОВА:** нуклеиновые кислоты, гидратация, структура тРНК, ИК-спектроскопия, пьезогравиметрия, КВЧ-диэлектрометрия.

Изучение транспортных РНК (тРНК) с помощью дифракции рентгеновских лучей позволило установить, что эти важные молекулы, обладая однонитчатой первичной структурой (75-90 нуклеотидов) при определенных условиях в кристаллическом состоянии формируют вторичную (в виде клеверного листа) и третичную структуры. Считается, что стабилизация этих структур достигается за счет образования водородных связей в правильных и неправильных парах азотистых оснований, а также благодаря стекинг-взаимодействию. В большинстве случаев правильные уотсон-криковские пары формируют вторичную структуру - спиральные стебли тРНК, а третичная структура удерживается в основном неправильными парами. Известно также, что в формировании третичной структуры тРНК активное участие принимают ионы двухвалентных металлов (Mg<sup>2+</sup>, Mn<sup>2+</sup>, и др.) [1]. Из многочисленных рентгеноструктурных данных для монокристаллов дуплексов РНК [2] известно, что устойчивость их спиральной структуры определяется как уотсон-криковскими парами и стекинг-взаимодействием, так и сформировавшимися водными мостиками, которые в спиральной конформации скрепляют азотистые основания и противоположные полинуклеотидные цепи. Поэтому можно думать, что воде принадлежит определенная роль в образовании вторичной и, по-видимому, третичной структуры тРНК. Насколько нам известно, влияние воды на структуру тРНК не изучалось.

Целью настоящей работы было исследование влияния гидратации на структуру и структурные переходы суммарных тРНК в пленках и растворах с помощью разработанного нами комплексного подхода, основанного на использовании ИК-спектроскопии, диэлектрометрии и пьезогравиметрии. Применение ИК-спектроскопии оказалось полезным при исследовании вторичной структуры фенилаланиновой тРНК [3]. Поэтому можно было надеяться получить информацию о влиянии гидратации не только на спиральные участки тРНК, но и на формирование третичной структуры. Предварительные результаты были сообщены в [4].

### материалы и методы

Методика ИК-спектроскопических, диэлектрометрических и пьезогравиметрических исследований была аналогична той, которая применялась для изучения особенностей формирования двойных спиралей и гидратных оболочек полинуклеотидов типа РНК [5-9].

В качестве образцов использовали суммарную тРНК фирмы «Serva» (Германия). Количество ионов определяли с помощью пламенного фотометра ФПЛ-1 и измерений диэлектрических параметров (мост Р568, частота  $10~\text{к}\Gamma\text{ц}$ ). Согласно этим измерениям, в исследуемом образце по отношению к сухому весу тРНК содержалось 5.7%~и~0.6% ионов  $\text{Na}^+\text{ u}~\text{K}^+$  соответственно.

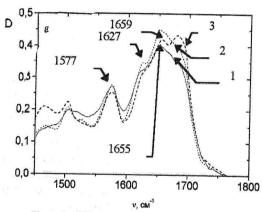
Пленки готовили медленным испарением воды при 4°C из 1% раствора тРНК, помещенного на подложку из флюорита. Подложку располагали строго горизонтально на специальном столике. ИКспектры записывали с помощью двухлучевого спектрофотометра UR-20, призма NaCl, разрешение 6см<sup>-1</sup> при 1700см<sup>-1</sup>. ИК-спектры образцов тРНК с различным содержанием воды в области 3900-1800см<sup>-1</sup> получали с помощью ранее разработанной герметичной и термостатированной кюветы с окошками из флюорита [10]. Дейтерирование и увлажнение пленок производили в интервале 0-96% относительной влажности (ОВ) так же, как и в работе [10]. Оптическую плотность находили методом базовой линии при частотах v=1800см<sup>-1</sup> и 1350см<sup>-1</sup>.

Степень гидратации тРНК в растворе (концентрация 1,3%) находили с помощью дифференциального диэлектрометра миллиметрового диапазона длин волн. Непосредственно измеряемыми величинами являлись коэффициент поглощения и фазовая постоянная, исходя из которых, как и в работе [11], рассчитывали комплексную проницаемость и количество молекул воды, связанных с молекулой РНК.

Изотермы гидратации тРНК, то есть зависимость числа сорбированных молекул воды на нуклеотид (n) от OB, получали методом кварцевого резонатора [12].

## РЕЗУЛЬТАТЫ И ОБСУЖДЕНИЕ

На рис. 1а, б представлены спектры пленок тРНК при различных значения ОВ в дейтерированном и недейтерированном состояниях. Из этих данных видно, что с ростом ОВ наблюдаются значительные изменения в участках спектра, отвечающих поглощению азотистых оснований (1800-1300 см<sup>-1</sup>) и сахарофосфатной цепи (1300-900см<sup>-1</sup>). Эти изменения связаны с изменениями структуры тРНК и их гидратного окружения в процессе увлажнения образца.



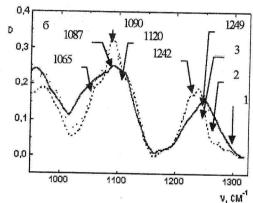


Рис. 1. ИК-спектры дейтерированной (а) и недейтерированной (б) тРНК в пленке при различных значениях ОВ: 1-0%, 2-56%, 3-92%(а); 1-0%, 2-44%, 3-86% (б)

На рис.2 приведена изотерма гидратации тРНК при  $20^{\circ}$ С. Сорбционная способность тРНК незначительно отличается от ДНК [13].

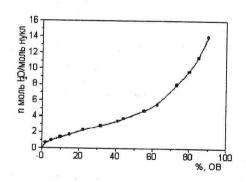
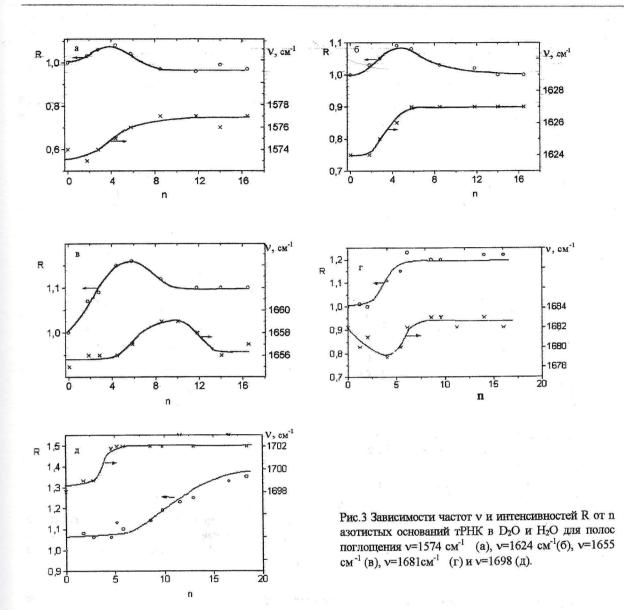


Рис. 2 Изотерма гидратации тРНК при 20 °C

Для достаточно надежно интерпретированных полос поглощения азотистых оснований и сахарофосфатной цепи выполнен подробный анализ спектров. С этой целью построены зависимости значений частот  $\nu$  и интенсивностей R (в относительных единицах) от величины n (числа молекул воды на нуклеотид).

Область поглощения азотистых оснований. На рис.3 для дейтерированной тРНК представлены типичные зависимости  $\nu$  и R от п для полос поглощения внутрикольцевых колебаний C=N гуанина  $\nu$ =1574 см $^{-1}$  (а), аденина  $\nu$ =1624 см $^{-1}$  (б), карбонильного колебания C4O4 урацила и, возможно, C2O2 цитозина  $\nu$ =1655 см $^{-1}$  (в) и C6O6 гуанина  $\nu$ =1681см $^{-1}$  (г), а на рис.3д приведены подобные зависимости для полосы поглощения 1698 см $^{-1}$  (колебание C=O) недейтерированного образца тРНК.



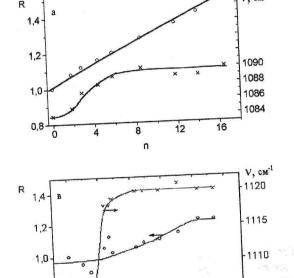
На этих зависимостях в трех интервалах изменения п наблюдаются особенности. В первом интервале изменения 0<n≤4 интенсивность R возрастает на 10-20%. При этом заметного частотного сдвига большинства указанных полос не происходит. Такое увеличение интенсивности с ростом п, как показал квантовомеханический расчет для модельного соединения [14], связано с изменением электронной плотности на атомах, с которыми молекулы воды образуют H-связи. Поскольку рассмотренные колебания относятся к связям с участием атомов азотистых оснований (N3, N7, O2, O4),то связывание молекул происходит именно по этим центрам. О связывании молекул воды с C6O6 группами свидетельствует понижение частоты v=1682 см¹ на 2-3 см¹ (рис.3г) и рост интенсивности на 20%.

Во втором интервале 4<n≤9 происходит резкий высокочастотный сдвиг на 3-4 см<sup>-1</sup> полос, соответствующих внутрикольцевым колебаниям C=N (рис.3а,б) и внекольцевым колебаниям C=0 на 3см<sup>-1</sup> (рис.3в,г), который сопровождается уменьшением интенсивности на 10-12% (гипохромизм). Эти эффекты в 2-3 раза меньше по сравнению с аналогичными эффектами для ДНК в двухспиральной конформации [15], что вполне объяснимо, поскольку в двухспиральной структуре тРНК находится приблизительно только ≈50% азотистых оснований. Как показал расчет резонансных частот [16], обнаруженные высокочастотные сдвиги полос и наблюдаемый ИК-гипохромизм свидетельствуют о переходе стеблей тРНК в спиральную А-конформацию. Этот вывод соответствует работам [5-8]. При п>3 полоса поглощения 1698 см<sup>-1</sup> недейтерированной тРНК претерпевает «голубой» сдвиг до v=1702 см<sup>-1</sup> (рис.3д), что также говорит о переходе тРНК в спиральную конформацию.

В третьем интервале 9<п≤14 полоса поглощения 1655 см<sup>-1</sup> (колебания С4О4 и С2О2) претерпевает низкочастотный сдвиг на 3-4см<sup>-1</sup>. Ранее при исследовании комплексов полинуклеотидов

poly(rA)-poly(rU) [5], poly(dA)-poly(dT) [17], poly(rG)-poly(rC) [8] такой эффект для полос поглощения, соответствующих карбонильным колебаниям, не был обнаружен. Из данных РСА известно также, что третичная структура тРНК стабилизируется правильными и неправильными Н-связями с участием этих карбонильных групп [ 1 ]. Поэтому мы нолагаем, что обнаруженный низкочастотный сдвиг полосы 1655см<sup>-1</sup> связан с формированием третичной структуры тРНК в этом интервале абсорбции воды.

Область поглощения сахарофосфатной цепи. На рис. 4 показаны типичные зависимости v и R от п для полос поглощения симметричного ( $v_s$ ) и антисимметричного ( $v_{as}$ ) колебаний фосфатов  $PO_2$  и вырожденного колебания атомов рибозы [18,19]:



0,8

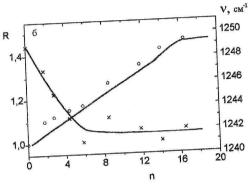


Рис. 4 Зависимости частот v и интенсивностей R от n для полос поглощения PO<sub>2</sub>— групп v<sub>S</sub>=1090cm<sup>-1</sup>,  $\nu_{\rm as}$ =1242cm $^{-1}$  (a, б) и рибозы  $\nu$ =1120cm $^{-1}$  (в) тРНК в

12 Низкочастотное смещение  $\nu_{as}$  и высокочастотный сдвиг  $\nu_{s}$  на 6-7 см $^{-1}$  указывают на связывание молекул воды фосфатными группами. Поскольку это смещение приблизительно в 3 раза меньше, чем смещение аналогичного колебания  $\nu_{as}$  ДНК [15], то следует полагать, что связывание воды с группами  $PO_2^-$  в тРНК менее прочное, чем с теми же группами ДНК. Рост интенсивности этих полос во всех трех интервалах сорбции указывает на то, что степень гидратации тРНК соответствует n=14 молекулам воды на один нуклеотид. Частота полосы поглощения рибозы 1105см в первом интервале сорбции практически не изменяется, однако во втором интервале до n=8 она претерпевает высокочастотный сдвиг до 1120см-1 (рис.4в), что связано, по-видимому, с конформационными изменениями рибозы: именно в этом интервале, как было сказано выше, происходит переход стеблей тРНК в двухспиральное состояние. Рост интенсивности данной полосы вплоть до n=14, как и в случае с фосфатными полосами, свидетельствует о связывании молекул воды с С2'ОН группами рибозы. Поскольку интенсивность этих полос возрастает и в третьем интервале сорбции, то надо полагать, что на образование третичной структуры требуется 4-5 молекул воды.

1105

20

16

Измерения диэлектрических параметров раствора тРНК также позволили определить степень гидратации тРНК, которая оказалась близкой (~13 молекул воды на один нуклеотид) к соответствующей

Таким образом, можно считать, что степень гидратации (H<sup>TPHK</sup>) в пересчете на один нуклеотид величине во влажных пленках. суммарной тРНК составляет 14±1 молекул воды.

Ранее нами было установлено, что степени гидратации полинуклеотидов соответственно равны:  $h^{y}$ =7(±1),  $h^{A}$ =11(±1),  $h^{T}$ =12(±1),  $h^{U}$ =9(±1),  $h^{A-y}$ =14(±1),  $h^{T-U}$ =8(±1). Так как в среднем в двухспиральной структуре в стеблях тРНК находится ~55%всех нуклеотидов, то степень гидратации тРНК можно представить в виде

$$H^{\text{TPHK}} = 0.55 \frac{h^{\text{A-Y}} + h^{\Gamma - II}}{2} + 0.45 \frac{h^{\text{Y}} + h^{\text{A}} + h^{\Gamma} + h^{II}}{4} + h^{\text{Tper}},$$

где  $h^{\text{трет}}$  - степень гидратации нуклеотида при формировании третичной структуры тРНК. Подставляя известные величины в формулу, можно найти, что на образование третичной структуры необходимо около 4 молекул воды на нуклеотид. Из зависимости величины  $\nu$  от n (рис. 3в) также видно, что это количество молекул воды необходимо для формирования третичной структуры тРНК. Наличие спирализованных стеблей тРНК обеспечивается достаточным количеством гидратированных ионов  $Na^+$  в исследуемых образцах.

### выводы

Проведенные исследования гидратации тРНК и полинуклеотидов свидетельствуют о том, что вода играет важную роль не только в формировании вторичной структуры, но и в свертывании транспортной РНК в третичную структуру.

#### СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- 1. Зенгер В. Принципы структурной организации нуклеиновых кислот. -М.; Мир, 1987, 584с.
- 2. Egly M., Portmann S., Usman N. // Biochemistry 1996, V. 35. p. 8489-8494.
- 3. Starikov E.B. Semenov M.A. // Studia biophysica 1987, V. 120, №2. p. 187-196.
- 4. Семенов М.О., Капптур В.А., Больбух Т.В. ІІ з'їзд Українського Біофізичного товариства. Харків 1998, с. 15
- Семенов М.А., Больбух Т.В., Малеев В.Я. // Биофизика. 1985. Т.30. с. 571-577
- 6. Semenov M.A., Bolbukh T.V., Starikov E.B. // Studia biophysica 1985, V. 106. №3 p. 181-192.
- Семенов М.А., Стариков Е.Б. Больбух Т.В., Малеев В.Я. // Биофизика. 1988. Т.34. с. 389-395
- Семенов М.А., Малеев В.Я., Березняк Е.Г. Гасан А.И., Больбух Т.В. // Молекулярная биология 1991. Т.25. с 1626-1634
- 9. Семенов М.А. дисс. докт. физ.-мат. наук. М. МГУ, 1990
- 10. Семенов М.А., Сухоруков Б.И., Малеев В.Я., Шабардина Л.И. // Биофизика. 1979. Т.24. вып. 2. с. 210-217
- 11. Кашпур В.А., Малеев В.Я., Щеголева Т.Ю. // Молекулярная биология 1976. Т10. №3. с.568-575.
- 12. Больбух Т.В., Семенов М.А. // Биофизика. 1985. Т.30. с.409-413
- 13. Семенов М.А., Больбух Т.В. // Биофизика. 1984. Т.29. вып. 3. с. 377-382
- 14. Стариков Е.Б., Семенов М.А. // Журнал физ. химии. 1988. Т.42. №8. с. 2120-2126
- 15. Семенов М.А., Малеев В.Я. // Биофизика. 1986. Т.31. с. 764-767
- 16. Semenov M.A., Bolbukh T.V. // Studia biophysica 1984. V. 102. p. 215-220.
- 17. Семенов М.А., Матвеев Д.А., Больбух Т.В., Малеев В.Я. // Биофизика. 1994. Т.39. с. 628-636
- 18. Tsuboi M. // Appl. Spectrosc. Rev. 1971. V.5, №3. p. 45-90
- 19. Chem Y.Z. Pronofsky E.W. // Biopolymers. 1993 V.35. №5. p. 797-812